

Uma variante detectada

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|-------------------------------|-------------------------------|------|----------|-----------|
| Nenhuma Variante Identificada | Nenhuma Variante Identificada | - | - | - |

Duas variantes detectadas

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|-------------------------------|-------------------------------|------|----------|-----------|
| Nenhuma Variante Identificada | Nenhuma Variante Identificada | - | - | |

Principais doenças genéticas da raça

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|---------------------------------|------------------------|---------------|--|
| Neurológico | Lipofucinose ceróide neuronal 5 | CLN5 - Cromossomo 22 | g.30574637C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Osteopatia craniomandibular | SLC37A2 - Cromossomo 5 | g.9387327G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Mielopatia degenerativa (SOD1) | SOD1 - Cromossomo 31 | g.26540348G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|---|------------------------|--|--|
| Oftalmológico | Atrofia progressiva da retina - PRCD | PRCD - Cromossomo 9 | g.4188663C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Condrodistrofia e doença do disco intervertebral (CDDY/IVDD) tipo I | FGF4 - Cromossomo 12 | g.33710178_33710179insMF040221) until it can be standardised | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Miotonia hereditária | CLCN1 - Cromossomo 16 | g.6344729insT | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Miotonia hereditária | CLCN1 - Cromossomo 16 | g.6366383G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Renal | Cistinúria tipo II - A | SLC3A1 - Cromossomo 10 | g.46725149delACC ACC | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Renal | Urolitíase/Hiperuric osúria | SLC2A9 - Cromossomo 3 | g.69456869G>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Lipofucinose Ceróide Neuronal,5 | CLN5 - Cromossomo 22 | g.30574953_30574954delAG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|---------------|---|-------------------------|---------------------------|--|
| Neurológico | Lipofucinose ceróide neuronal (NCL 12) | ATP13A2 - Cromossomo 2 | g.81210367delG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Luxação primária de lente (PLL) | ADAMTS17 - Cromossomo 3 | g.40782144G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Metabólico | Resistência a Múltiplos Medicamentos, sensibilidade à Ivermectina | ABCB1 - Cromossomo 14 | g.13726596_13726599delTAG | Variante não detectada: sem risco de intolerância a medicamentos |

Todas as doenças genéticas avaliadas

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|-------------------------------|--|-------------------------|------------------------------|--|
| Ossos e Músculos | Síndrome de Musladin-Lueke | ADAMTSL2 - Cromossomo 9 | g.49931561C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Nenhuma Variante Identificada | Nenhuma Variante Identificada | - | - | - |
| Hematológico | Trombastenia | ITGA2B - Cromossomo 9 | g.19057158insGGT GCCACAGACAT | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Atrofia progressiva da retina / Distrofia de cones e bastonetes 2 (rcd2 ou crd2) | IQCB1 - Cromossomo 33 | g.25078911insG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|---|-------------------------|---|--|
| Neurológico | Degeneração cerebelar cortical | SNX14 - Cromossomo 12 | g.45530566C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Metabólico | Raquitismo por deficiência de vitamina D, tipo II | VDR - Cromossomo 27 | g.6895069delG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Deficiência de fator IX de coagulação (hemofilia B) | F9 - Cromossomo X | 1114878_111520319>a deletion of the entire gene | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Deficiência de fator VIII (hemofilia A) - variante 2 | F8 - Cromossomo X | g.122975611C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Nanismo Desproporcional Moderado, ou Displasia Esquelética (SD2) | COL11A2 - Cromossomo 12 | g.2652874C>G | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Miotonia hereditária | CLCN1 - Cromossomo 16 | g.6366383G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Atrofia progressiva da retina/ Displasia de cones e bastonetes 3 - rcd3 | PDE6A - Cromossomo 4 | g.59145362delA | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|--|-------------------------|------------------------------|--|
| Neurológico | Gangliosidose, GM1 | GLB1 - Cromossomo 23 | g.3754313G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Dermatológico | Ictiose | PNPLA1 - Cromossomo 12 | g.5417388(MNP_A CC>TACTACTA) | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Síndrome miastênica congênita (CMS) | COLQ - Cromossomo 23 | g.27176737T>C | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Doença de Von Willebrand III | VWF - Cromossomo 27 | g.38892182G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Lipofuscinose ceróide neuronal 10 (NCL10) | CTSD - Cromossomo 18 | g.46013354C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Displasia esquelética, SD2 | COL11A2 - Cromossomo 12 | g.2652874C>G | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Lipofuscinose ceróide neuronal 4A (NCL4 A) | ARSG - Cromossomo 9 | g.15071276G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|---------------------|---|--------------------------|---|--|
| Neurológico | Polineuropatia | ARHGEF10 - Cromossomo 16 | g.54349199delCAC GGTGAGC | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Distrofia macular da córnea | LOC489707 - Cromossomo 5 | g.75279762C>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Anomalia de May-Hegglin | MYH9 - Cromossomo 10 | g.28120346G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Atrofia progressiva da retina | CNGA1 - Cromossomo 13 | g.43831897delAGT T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Renal | Cistinúria tipo I - A - variante do Labrador | SLC3A1 - Cromossomo 10 | g.46700946delG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Atrofia progressiva da retina | CNGB1 - Cromossomo 2 | g.58622673delA | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Cardio Respiratório | Cardiomiopatia dilatada, variante de risco DCM1 | PDK4 - Cromossomo 14 | g.20829667_20829682: 16 bp deletion (del GTATCCTTTCAAC CCA) | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|-----------------------------|--|------------------------|-------------------------------------|--|
| Gastrointestinal e Hepático | Mucocele da vesícula biliar - variante de risco | ABCB4 - Cromossomo 14 | g.13584929insC | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Odontológico | Amelogênese imperfeita | SLC24A4 - Cromossomo 8 | g.1679118-1679119 : 21 bp insertion | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Metabólico | Doença de armazenamento de glicogênio VII (deficiência de fosfofrutoquinase) | PFKM - Cromossomo 27 | g.6620819C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Renal | Nefrite ligada ao X (Síndrome de Alport) | COL4A5 - Cromossomo X | | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Distrofia Muscular tipo Duchene (variante 2 Tipo Cavalier) | DMD - Cromossomo X | g.26956239G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Deficiência de pre caliceína | KLKB1 - Cromossomo 16 | g.44501415A>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Lipofucinose Ceróide Neuronal,5 | CLN5 - Cromossomo 22 | g.30574953_30574954delAG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|---|-------------------------|---------------------------------|--|
| Metabólico | Hipocatalasia | CAT - Cromossomo 18 | g.33397548C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Imunológico | Deficiência de C3 | C3 - Cromossomo 20 | g.53573746delC | Inconclusivo |
| Neurológico | Distrofia neuroaxonal | MFN2 - Cromossomo 2 | g.84289959delCTC | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Metabólico | Resistência a Múltiplos Medicamentos, sensibilidade à Ivermectina | ABCB1 - Cromossomo 14 | g.13742402A>C | Variante não detectada: sem risco de intolerância a medicamentos |
| Ossos e Músculos | Osteopatia craniomandibular | SLC37A2 - Cromossomo 5 | g.9387327G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Odontológico | Hipomineralização dentária | FAM20C - Cromossomo 6 | g.16452327G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Osteogênese Imperfeita | COL1A2 - Cromossomo 14 | g.19918265(MNP_CTGA>TGTCATTG G) | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Luxação primária de lente (PLL) | ADAMTS17 - Cromossomo 3 | g.40782144G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|--|------------------------|--------------------------------------|--|
| Neurológico | L-2-hidroxiglutarica cideemia | L2HGDH - Cromossomo 8 | g.26723470(MNP_GAA>AAG) | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Dermatológico | Ictiose | PNPLA1 - Cromossomo 12 | g.5417388_5417390delinsTACTACTA | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Metabólico | Deficiência de piruvato desidrogenase do eritrócito | PKLR - - Cromossomo 7 | g.42268927G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Acromatopsia (degeneração de cones, hemeralopia) | CNGB3 - Cromossomo 29 | g.32837065C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Displasia oculoesquelética 2 (displasia retineana e nanismo 2) | COL9A2 - Cromossomo 15 | g.2645695-2646962 : 1267 bp deletion | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Dermatológico | Epidermólise bolhosa distrófica (Tipo Pastor Asiático) | COL7A1 - Cromossomo 20 | g.40538034G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Desordem de coagulação devido a deficiência de P2RY12 | P2RY12 - Cromossomo 23 | g.45909987delGAG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|---------------------|--|------------------------|--------------------------------------|--|
| Reprodutivo | Síndrome da persistência do ducto Mulleriano | AMHR2 - Cromossomo 27 | g.1794738G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Renal | Cistinúria tipo II - A | SLC3A1 - Cromossomo 10 | g.46725149delACC ACC | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Audição | Surdez de início no adulto | USP31 - Cromossomo 6 | g.25681850G>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Retinopatia multifocal 2 | BEST1 - Cromossomo 18 | g.54476143C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Cardio Respiratório | Cardiomiopatia dilatada (Tipo Schnauzer) | RBM20 - Cromossomo 28 | g.22146844-22146865 : 22 bp deletion | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Renal | Cistinúria, tipo II - B | SLC7A9 - Cromossomo 1 | g.119211940G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Gangliosidose, GM1 | GLB1 - Cromossomo 23 | g.3796316delC | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|---------------|---|------------------------|------------------------------------|--|
| Oftalmológico | Atrofia progressiva da retina | SAG - Cromossomo 25 | g.44843440T>C | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Metabólico | Mucopolisacaridose VII | GUSB - Cromossomo 6 | g.740428G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Hipoplasia cerebelar | VLDLR - Cromossomo 1 | g.91266144delC | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Síndrome de Bernard-Soulier (BSS) | GP9 - Cromossomo 20 | g.3025814_302827 3del: 265 pb | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Renal | Nefrite ligada ao X/ síndrome de Alport | COL4A5 - Cromossomo X | g.82196868G>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Gangliosidose, GM1 | GLB1 - Cromossomo 23 | g.3796356insAGGA TCCCAGACTTGC CCCA | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Dermatológico | Ictiose | ASPRV1 - Cromossomo 10 | g.68587027A>G | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|---------------|---|------------------------|------------------|--|
| Hematológico | Deficiência de fator VIII - hemofilia A | F8 - Cromossomo X | g.122981181G>C | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Atrofia progressiva da retina/ Displasia de cones e bastonetes 1 - rcd1 | PDE6B - Cromossomo 3 | g.91747714C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Deficiência de fator VII | F7 - Cromossomo 22 | g.60578895G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Lipofucinose ceróide neuronal 5 | CLN5 - Cromossomo 22 | g.30574637C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Síndrome do neutrófilo aprisionado | VPS13B - Cromossomo 13 | g.1412654delGTTT | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Lipofucinose ceróide neuronal (NCL 12) | ATP13A2 - Cromossomo 2 | g.81210367delG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Ataxia cerebelar, de início precoce e progressiva | SEL1L - Cromossomo 8 | g.53778458A>G | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|---|-----------------------|------------------|--|
| Ossos e Músculos | Hipertrofia muscular (musculatura dupla) | MSTN - Cromossomo 37 | g.729360delCA | Variante não detectada: fenótipo sem hipertrofia |
| Ossos e Músculos | Miopatia centronuclear | BIN1 - Cromossomo 19 | g.23522400A>G | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Eliptocitose | SPTB - Cromossomo 8 | g.39170437G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Dermatológico | Dermatomiosite - variante de risco 1 | PAN2 - Cromossomo 10 | g.627760G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Imunológico | Imunodeficiência severa combinada (negativo para células T e células B, e positivo para células NK) | RAG1 - Cromossomo 18 | g.31631772C>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oncológico | Cancer de mama - pesquisa para variante de risco 2 | BRCA2 - Cromossomo 25 | g.19986007G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Acromatopsia (degeneração de cones, hemeralopia), AMAL | CNGB3 - Cromossomo 10 | g.44234198delTGG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|---|------------------------|-----------------|--|
| Hematológico | Doença de Von Willebrand I | VWF - Cromossomo 27 | g.38951839G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Distrofia neuroaxonal | VPS11 - Cromossomo 5 | g.14777774T>C | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Lipofuscinose ceróide neuronal 8 (NCL8) | CLN8 - Cromossomo 37 | g.30874779T>C | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Retinopatia multifocal 1 | BEST1 - Cromossomo 18 | g.54478586G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Dermatológico | Ictiose | SLC27A4 - Cromossomo 9 | g.55168916C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Distrofia muscular tipo Duchenne (variante 1 Tipo Golden) | DMD - Cromossomo X | g.27926945C>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Gangliosidose, GM2, tipo II | HEXB - Cromossomo 2 | g.57225684delG | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|---|----------------------------|-------------------------------|--|
| Neurológico | Abiotrofia cerebelar | MUTYH/VMP1 - Cromossomo 18 | g.50666019delTCAAGGCA | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Osteogênese Imperfeita | SERPINH1 - Cromossomo 21 | g.23033735A>G | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Epilepsia benigna familiar juvenil | LGI2 - Cromossomo 3 | g.85210442A>T | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Metabólico | Resistência a Múltiplos Medicamentos, sensibilidade à Ivermectina | ABCB1 - Cromossomo 14 | g.13726596_13726599delTAG | Variante não detectada: sem risco de intolerância a medicamentos |
| Metabólico | Mucopolissacaridose IIIa | SGSH - Cromossomo 9 | g.1544373delCCA | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Oftalmológico | Acromatopsia-2 | CNGA3 - Cromossomo 10 | g.44234861G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Policitemia | JAK2 - Cromossomo 1 | g.93416506(MNP_GTCTGT>TTCCTT) | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|---------------------|--|----------------------------|-----------------------------|--|
| Neurológico | Polineuropatia | NDRG1 - Cromossomo 13 | g.29691070delGTC CAGGCGA | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Miopatia miotubular 1 ligada ao X | MTM1 - Cromossomo X | g.118885117C>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Neurológico | Hipomielinização do sistema nervoso central | FNIP2 - Cromossomo 15 | g.55928287delA | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Cardio Respiratório | Cardiomiopatia e mortalidade juvenil (Tipo Pastor Belga) | YARS2 - - Cromossomo 27 | g.16157324G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Metabólico | Doença de Wilson | ATP7B - Cromossomo 22 | g.225097G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Trombopatia | RASGRP2 - Cromossomo 30 | g.52417313delTCT | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Deficiência de fator IX de coagulação (hemofilia B) | F9 - Cromossomo X | g.109530868G>A | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

| Categoria | Doença | Gene | Variante | Resultado |
|------------------|--|-----------------------|-------------------------------|--|
| Oftalmológico | Anomalia do olho de Collie / Hipoplasia da Coróide | NHEJ1 - Cromossomo 37 | g.25698028_25705826del 7799bp | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Hematológico | Trombastenia | ITGA2B - Cromossomo 9 | g.19054488G>C | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |
| Ossos e Músculos | Osteogênese imperfeita, tipo III | COL1A1 - Cromossomo 9 | g.26193593C>G | Variante não detectada: sem risco aumentado para desenvolvimento da doença |

Traços

| Categoria | Traços | Gene | Variante | Resultado |
|---------------------------------|---|-----------------------|------------------------------------|--|
| Cor da camada da base dos pelos | Cor de pelagem marrom/chocolate - Gene B (variantes bD, bS, bC) | TYRP1 - Cromossomo 11 | c.1033_1035del; c.991C>T; c.121T>A | BB: Coloração preta (em cães E_K_). Não portador de nenhuma variante do gene B. |
| Modificadores da coloração | Cor de pelagem harlequim - Gene H | PSMB7 - Cromossomo 9 | c.146T>G | h/h: não portador da variante H, não transmitindo para seus filhotes. Poderá ter qualquer outra cor ou padrão de pelagem, exceto arlequim. |
| Modificadores da coloração | Cor de pelagem diluída (azul ou isabela) Gene D (variantes d/d1 e d4) | MLPH - Cromossomo 25 | c.-22G>A; c.667_668insC | DD: Coloração sólida preta ou marrom (em cães E_K_). Não portador de nenhuma variante do Gene D. |

| Categoria | Traços | Gene | Variante | Resultado |
|---------------------------------|---|------------------------|----------------------------------|---|
| Modificadores da coloração | Merle - variantes M e m | PMEL - Cromossomo 6 | g.292837ins | m/m: não portador da variante M, não transmitindo para nenhum filhote. Cor da pelagem irá depender de outros genes (podendo ser preto, marrom, zibelina, etc). |
| Cor da camada da base dos pelos | Cor de pelagem - Gene K (variante ky) | CBD103 - Cromossomo 16 | c.231_233del | K/K: Terá cor sólida preta (preto dominante) em cães E_ e B_. Em cães bb terá cor sólida marrom. Não portador da variante ky, não transmitindo para nenhum filhote. |
| Modificadores da coloração | Manchas Brancas | KIT - Cromossomo 13 | c.140_141insA | k/k: Não apresentará branco na pelagem, a não ser por possíveis pequenas áreas frontais. Não portador da variante K, não transmitindo para nenhum filhote. |
| Características da pelagem | Pelo encaracolado - Gene C (variante c1) | KRT71 - Cromossomo 27 | c.451C>T | C/C: pelo liso. Não portador da variante c1 para pelo encaracolado, não transmitindo para nenhum filhote. |
| Modificadores da coloração | Cor de pelagem zibelina, agouti/cinza lobo, preto e canela ou preto recessivo - Gene A (variante "a" avaliada; para outras variantes - ay, aw, at - pode ser necessário novas análises) | ASIP - Cromossomo 24 | c.286C>T, g.23353288_23353472del | Inconclusivo |

| Categoria | Traços | Gene | Variante | Resultado |
|---------------------------------|---|-----------------------|---|--|
| Características físicas | Braquicefalia | BMP3 - Cromossomo 32 | c.1344C>A | Uma variante detectada: chance moderada de braquicefalia |
| Características da pelagem | Comprimento de pelo - Gene FGF5 (variantes Lh1, Lh3, Lh4 e Lh5) | FGF5 - Cromossomo 32 | c.284G>T; c.556_571del; c.559_560dup; c.578C>T | Sh/Sh: não possui nenhuma variante do gene FGF5, não passando para nenhum filhote. Tem pelo curto ("Sh" = short hair) |
| Características físicas | Cauda curta (natural bobtail) - Gene T | T - Cromossomo 1 | g.54192143G>C | t/t: não portador da variante T para cauda curta, não transmitindo para nenhum filhote. Possui cauda de comprimento normal. |
| Características da pelagem | Pelo longo em bigode e sobrancelha (improper coat) | RSPO2 - Cromossomo 13 | 167 bp 3' UTR insertion | Não portador da variante F, não transmitindo para nenhum filhote. Não possui pelo longo em bigode e sobrancelha |
| Cor da camada da base dos pelos | Cor de pelagem - Gene E (variante e1) | MC1R - Cromossomo 5 | c.233G>T | EE: Pode ter pelagem escura pois não é portador de nenhuma variante do Gene E. A coloração da pelagem irá depender dos outros genes. |